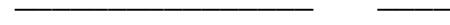


⋮
⋮
⋮
⋮
⋮
⋮
(⋮) : 21

X*

- K86.1
- K86.2
- K86.3
- K86.8
- K86.9



1.

(,) -			
			1
B01.004.001	(,) -	0,5	1
B01.009.001	(,) -	0,01	1
B01.010.001	(,) -	0,1	1
B01.013.001	(,) -	0,5	1
B01.019.001	(,) -	0,2	1
B01.031.001	(,) -	0,5	1
B01.058.003	(,) -	0,05	1
A08.16.004	(Helicobacter pylori)	0,1	1

1

(,),
100%

0 1, 1 ,

1 -

A09.05.004	- ()	0,5	1
A09.05.007		0,8	1
A09.05.008		0,8	1
A09.05.014		0,5	1
A09.05.018		0,5	1
A09.05.019		0,5	1
A09.05.025	.	0,7	1
A09.05.028		0,5	1
A09.05.032		1	1
A09.05.033		0,5	1
A09.05.038	()	0,3	1
A09.05.039		0,8	1
A09.05.043		0,8	1
A09.05.044.001	-	1	1
A09.05.045		1	2
A09.05.046		1	1
A09.05.047	III	0,3	1
A09.05.048		0,3	1
A09.05.049		0,3	1
A09.05.052		0,1	1
A09.05.054		0,8	1
A09.05.054.001		0,1	1
A09.05.055		0,3	1
A09.05.056		0,2	1
A09.05.058		0,2	1
A09.05.063	(4)	0,2	1
A09.05.064	(4)	0,2	1
A09.05.065		0,2	1

A09.05.067		0,1	1
A09.05.073	-1-	0,6	1
A09.05.074		0,8	1
A09.05.076		0,8	1
A09.05.083		0,2	1
A09.05.089	-	0,3	1
A09.05.129		0,3	1
A09.05.173		0,8	1
A09.05.205	-	0,5	1
A09.05.206		0,3	1
A09.05.207		0,6	1
A09.05.215		0,3	1
A09.19.001		0,5	1
A09.19.009		0,5	1
A09.19.010	-1	0,8	1
A09.28.010		0,5	1
A09.28.015.001	-	0,5	1
A09.28.027	-	1	1
A09.30.010	()	0,7	1
A12.05.005	(, , 0)	0,7	1
A12.05.006	-	0,7	1
A12.05.007	1, -2, D, c, E, Kell, Duffy	- 0,5	1
A12.05.011		0,8	1
A12.05.027	()	0,7	1
A12.05.028		0,7	1
A12.06.015	-	0,3	1

A12.06.016		,	0,2	1
A12.06.020			0,1	1
A12.06.024			0,1	1
A12.06.029			0,1	1
A12.06.030			0,1	1
A12.06.039			0,1	1
A12.22.005			0,8	1
B03.016.002	()	1	1
B03.016.004			1	1
B03.016.006			1	1
B03.016.010			1	1
A03.16.001			0,8	1
A04.10.002			0,3	1
A05.10.006			0,8	1
A05.14.001	-		0,3	1
A05.15.002	-		0,3	1
A06.09.007			0,2	1
A06.14.007	()	0,1	1
A06.30.005.002			0,1	1
A06.30.007			0,1	1
A07.14.002.001			0,1	1

A12.09.005		0,2	1
B03.052.001		1	1

2.

	(,) -		
B01.003.003	- -	0,2	5
B01.004.003	-	0,5	20
B01.013.002	(,) -	0,2	1
B01.031.005	-	0,5	20
B01.058.004	(,) -	0,05	1

A09.05.007		0,2	1
A09.05.008		0,2	1
A09.05.014		0,5	1
A09.05.022		0,8	1
A09.05.032		0,5	2

A09.05.039		0,9	1
A09.05.043		0,8	2
A09.05.044.001	-	0,8	1
A09.05.045		1	2
A09.05.046		0,5	1
A09.05.049		0,3	1
A09.05.054		0,5	1
A09.05.074		0,1	1
A09.05.173		0,8	1
A09.05.205	-	0,3	1
A09.05.206		0,3	1
A09.05.207		0,8	1
A09.28.015.001	-	0,5	1
A09.28.027	-	1	1
A09.30.010	()	0,4	1
A12.05.008	()	0,3	1
A12.05.009	()	0,3	1
A12.05.027	()	0,4	1
A12.05.028		0,4	1
B03.016.002	()	1	1
B03.016.004		1	1
B03.016.006		1	1
B03.016.010		1	1

B03.052.001		0,8	1

3.

					***	****
A02BA	2-	**	0,2			
A02BC			0,8		300	6300
					30	630
					40	840
					20	420
A02BX			0,3		40	840
					4	84

	- -	**			***	****
A03AA	,		0,9			
					405	8505
					600	12600
A03AD			0,2			
					120	1200
					120	1200
A03BA	,		0,3			
					1	3
A03BB	,		0,1			
					100	2100
A04AA	5HT3-		0,2			
					4	40

	- -	**			***	****
A05AA			0,7			
A05			0		500	10500
A07BC			0,2		1800	37800
A09AA			0,8		10	70
A11HA			0,5		75	1575
A16AA			0,2		100	2100
A16AX	-		0,3		800	16800
					600	12600

	-	**			***	****
B01AB			0,2			
					40000	800000
					0,4	4
B02AB			0,15			
					800000	4800000
B05AA			0,3			
					20	200
					250	2500
B05CX			0,1			
					1000	10000
C03CA			0,1			
					30	300
C03DA			0,1			
					25	500
H01CB	,		0,5			
					150	1500
H02AB			0,3			
					20	420
					125	1250

	-	**			***	****
J01CA	-		0,2		80	1680
					1,5	21
J01CR	,		0,1		4	48
	-					
J01DB	1-	[+]	0,2		3600	50400
					4	40
J01DC	2-		0,1		4	40
J01FA			0,1		500	5000
J01FF			0,1		1	14
J01MA			0,1		800	11200
					0,5	7

	-	**			***	****
J01XA			0,1			
J02AB			0,3		1	14
J02AC			0,3		100	1000
J06BA	,		0,1		125	1125
		[IgG+IgM+IgA]			32	244
M01AB			0,2			
M01AE			0,01		50	1000
N02BB			0,2		200	600
N02BE			0,01		50	250
					2400	12000

	- -	**			***	****
N05BA			0,01			
					10	240
N05CD			0,01			
					10	10
P01AB			0,3			
					900	9000
V06DD	,		0,2			
					100	500
V06DE	, , ,		0,2			
		[+ +]			200	2000

4.

(5 , 5 , 5 / , 5)	1	21

* _

** _

*** _

**** _

1.

2.

(, ,)