

⋮
⋮
⋮
⋮
⋮
⋮
(⋮) : 21

X*

K50.0

(_____)

1.

(,) - ,			
			1
B01.003.001	() - -	0,01	1
B01.004.001	(,) -	0,5	1
B01.013.001	(,) -	0,7	1
B01.018.001	(,) -	0,1	1
B01.031.001	(,) -	0,5	1
B01.10.001	(,) -	0,3	1
A08.14.001		0,01	1
A08.16.002		0,2	1
A08.16.003		0,2	1

1

(,),
100%

0 1, 1 ,

1 -

A08.16.004	(Helicobacter pylori)	0,5	1
A08.17.001		0,5	1
A08.18.003.001		0,1	1
A08.19.001		1	1
A08.19.002		1	1
A08.19.005		0,1	1
A08.19.006		0,1	1
A09.05.007		1	1
A09.05.013	/	1	1
A09.05.014		1	1
A09.05.018		0,5	1
A09.05.032		1	1
A09.05.045		1	1
A09.05.046		1	1
A09.05.050		1	1
A09.05.054		1	1
A09.28.001		1	1
A09.30.010	()	1	1
A12.05.005	(, ,0)	0,7	1
A12.05.006	-	0,7	1
A12.05.015		0,4	1
A12.05.018		1	1
A12.05.027	()	1	1
A12.05.028		1	1

A12.05.039	() ,	0,4	1
A12.06.001		0,5	1
A12.06.011	(RW)	1	1
A12.06.016	,	0,3	1
A12.06.019		1	1
A12.06.024		0,5	1
A12.06.035		0,5	1
A12.06.037		0,5	1
A26.06.040	M, G (IgM, IgG) (HBsAg Hepatitis B virus)	1	1
A26.06.041	M, G (IgM, IgG) (Hepatitis C virus)	1	1
A26.06.048	M, G (IgM, IgG) -1(Human immunodeficiency virus HIV 1)	1	1
A26.06.049	M, G (IgM, IgG) -2 (Human immunodeficiency virus HIV 2)	1	1
A26.06.093	M, G (IgM, IgG) (Yersinia enterocolitica)	0,3	1
A26.06.094	M, G (IgM, IgG) (Yersinia pseudotuberculosis)	0,3	1
A26.19.003	(Salmonella spp.)	0,3	1
A26.19.004	(Yersinia spp.)	0,3	1
A26.19.011		0,3	1
B03.016.003	()	1	1
B03.016.004		1	1
B03.016.006		1	1

B03.016.010			1	1
A04.04.001			0,2	1
A04.10.002			0,5	1
A04.18.001			0,5	1
A04.19.001			0,3	1
A04.30.004			0,1	1
A05.04.001	-	()	0,01	1
A05.04.001.001	-	()	0,01	1
A05.10.003			0,1	1
A05.10.006			0,8	1
A05.15.002	-		0,3	1
A05.30.004	-		0,4	1
A05.30.005	-		0,7	1
A05.30.007	-		0,05	1
A06.03.032			0,8	1
A06.03.061.001			0,8	1
A06.04.010			0,001	1
A06.04.011			0,001	1
A06.04.012			0,001	1
A06.04.013	-		0,001	1
A06.04.017			0,001	1
A06.09.005			0,2	1
A06.09.007			0,3	1

A06.16.009	-	0,3	1
A06.17.002	,	0,3	1
A06.17.003		0,2	1
A06.17.004		0,01	1
A06.18.003		0,1	1
A06.30.004		0,1	1
A06.30.005		0,3	1
A06.30.008		0,1	1
B03.052.001		1	1

2.

	(,) -		
B01.003.002	() - -	0,2	1
B01.003.003	- -	0,1	5
B01.004.003	-	0,5	20
B01.010.002	(,) -	0,1	1
B01.013.002	(,) -	0,5	1
B01.018.002	(,) -	0,1	1
B01.031.005	-	0,5	20
B02.069.002	(,)	0,5	2

A09.05.007		1	2
A09.05.032		1	3
A09.05.046		1	3
A09.05.050		1	3
A09.05.054		1	3
A09.05.209		0,3	1
B03.016.003	()	1	3
B03.016.004		1	3
B03.016.006		1	1
B03.016.010		1	2
A03.16.001.003		0,01	1
A03.17.001		0,02	1
A03.18.001		0,02	1
A03.18.001.001		0,02	1
A03.19.002		0,3	1
A04.16.001	()	0,2	1
A04.18.001		0,2	1
A04.19.001		0,2	1

A05.10.006			0,2	1
A05.14.001	-		0,01	1
A05.30.004	-		0,01	1
A05.30.004.001	-		0,01	1
A05.30.005	-		0,01	1
A05.30.005.001	-		0,01	1
A06.09.007.001			0,05	1
A06.17.002		,	0,01	1
/	,	,	,	
A03.17.001			0,8	1
A03.18.001			0,98	1
A03.18.001.001			0,98	1
A03.18.001.002			0,01	1
A11.14.001			0,01	1
A11.16.002			0,2	1
A11.16.003			0,2	1
A11.17.002			0,5	1
A11.19.001			1	1
A11.19.002			1	1

B01.003.004	(1	1
B01.003.004.001)	0,2	1

3.

		**		***	****
A02AB	-		0,8		
	-			60	1260
A02AD			0,8		
				40	840
A02BC		+	0,3		
				40	840
A02BX			0,3		
				240	5040
				4	84

	-	**			***	****
A03AA	,		0,4			
					405	8505
					600	12600
A03AD			0,1			
					4	12
A03AX			0,4			
					15	300
A03FA	-		0,7			
					30	630
					1	5
A05AA			0,7			
					10	210
A05AX			0,5			
					7,5	157,5

	-	**			***	****
A07BC			0,5			
A07EA			0,1		9	45
A07EC			0,9		9	189
					2	42
					1	21
A09AA			0,7			
					20000	420000
A11AA			0,3			
		+			1,5	30
A11BA			0,1			
		()			1	21
A11CC	D		0,1			
					1000	21000
A11DA	1		0,2			
					100	2100

	-	**			***	****
A11GA	()		0,2			
A12AX			0,8		100	2100
		+			1	21
A12BA			0,2			
					15	150
A12CX			0,8			
					2100	44100
B01AB			0,3			
					20000	200000
B02AA			0,1			
					50	200
B02BX			0,2			
					4	44
B03AC			0,5			
		[III]			100	500

	-	**			***	****
B05AA			0,6			
					100	500
					500	1500
B05BA			0,5			
					500	5000
					500	5000
B05CX			0,3			
					500	2500
B05XA			1,2			
					1	3
					1	5
					100	500
					500	10000
C03CA			0,1			
					30	300
C03DA			0,1			
					25	500
H02AB			0,75			
					125	1250
					20	420

	-	**		***	****
				48	1000
				80	1680
J01DB	1-		0,1		
				500	5000
J01DD	3-		1		
				250	2500
		+ []		1	10
				1	10
				1,5	15
J01DE	4-		0,1		
				2	20
J01DH			0,1		
				1,5	15
J01FA			0,45		
				500	5000
				1	14
J01GB			0,15		
				400	4000
J01XA			0,3		
				1	14
J02AC			0,3		

	-	**			***	****
	-				125	1125
J05AB	,		0,4			
					1	14
					3	30
J05AX			0,3			
		-			2	14
J06BA	,		0,1			
					32	224
L03AA			0,1			
					150	450
L04AB	(-)		0,6			

	-	**			***	****
	-				40	80
					200	400
L04AD			0,1			
					300	6300
L04AX			0,8			
					50	1050
M01AE			0,3			
					200	600
					300	1500
M01AX			0,1			
					200	2000
M03AB			0,4			
					100	100
					100	100
M03AC			0,6			
					0,2	0,2
					25	25

	-	**			***	****
M05BA			0,1			
					3	3
N01AB			1			
					100	100
					50	50
N01AH			0,8			
					1	1
					7	7
N01AX			1			
					500	500
					100	100
N01BB			0,3			
					75	300
N02AA			0,3			
					60	1260
N02AX			1			
					200	4200
N02BB			0,1			
					1	3
N02BE			0,7			
					2400	12000

	-	**			***	****
N05BA			0,05			
N05CD			0,9		10	210
P01AB			0,5		10	10
V06DE	,		0,1		750	7500
		+			45	450

4.

				***	****
	,	,	0,05	1	1
	,		0,1	2	6
			0,1	1	3

5.

	0,6	21
	0,3	21
()	0,1	21

* -
 ** -
 -
 *** -
 **** -

1. :

2.

(,)

.