

_____)

()

:
:
:
:

:

:

:
:

(): 21

X*

K51.1 ()

1.

(,) - ,			
			1
B01.003.001	() - -	0,01	1
B01.004.001	(,) -	0,5	1
B01.013.001	(,) -	0,7	1
B01.018.001	(,) -	0,3	1
B01.031.001	(,) -	0,5	1
A08.14.002		0,01	1
A08.16.002		0,01	1

1

, , 1 - 0 1, 1 , (,), 100%

A08.16.003		0,5	1
A08.16.004	(Helicobacter pylori)	0,5	1
A08.17.002		1	1
A08.18.003.001		1	1
A08.19.002		0,9	1
A09.05.007		1	1
A09.05.013	/	1	1
A09.05.014		1	1
A09.05.032		1	1
A09.05.045		1	1
A09.05.046		1	1
A09.05.050		1	1
A09.05.054		1	1
A09.19.001		1	1
A09.28.001		1	1
A09.28.015		1	1
A09.28.027	-	0,4	1
A09.30.010	()	1	1
A12.05.002		1	1
A12.05.005	(, , 0)	0,7	1
A12.05.006	-	0,7	1
A12.05.015		0,4	1
A12.05.018		1	1
A12.05.028		1	1

A12.05.039	() ,	0,4	1
A12.06.001		0,5	1
A12.06.011	(RW)	1	1
A12.06.016	,	0,7	1
A12.06.024		0,5	1
A12.06.037		1	1
A12.19.001		0,5	1
A26.05.001		0,4	1
A26.06.040	M, G (IgM, IgG) (HBsAg Hepatitis B virus)	1	1
A26.06.041	M, G (IgM, IgG) (Hepatitis C virus)	1	1
A26.06.048	M, G (IgM, IgG) -1(Human immunodeficiency virus HIV 1)	1	1
A26.06.049	M, G (IgM, IgG) -2 (Human immunodeficiency virus HIV 2)	1	1
A26.06.093	M, G (IgM, IgG) (Yersinia enterocolitica)	0,4	1
A26.06.094	M, G (IgM, IgG) (Yersinia pseudotuberculosis)	0,4	1
A26.19.003	(Salmonella spp.)	0,4	1
A26.19.004	(Yersinia spp.)	0,4	1
A26.19.011		0,4	1
B03.005.006	()	0,9	1
B03.016.003	()	1	1
B03.016.004		1	1

B03.016.006			1	1
B03.016.010			1	1
A03.16.001.003			0,05	1
A03.16.002			0,1	1
A03.17.001			0,3	1
A03.19.002			0,15	1
A04.04.001			0,2	1
A04.10.002			0,5	1
A04.18.001			0,5	1
A04.19.001			0,3	1
A04.30.004			0,5	1
A05.04.001	-	()	0,01	1
A05.04.001.001	-	()	0,01	1
A05.10.006			0,8	1
A05.14.001	-		0,5	1
A05.15.002	-		0,3	1
A05.30.004	-		0,2	1
A05.30.007	-		0,05	1
A06.03.032			0,5	1
A06.03.061.001			0,5	1
A06.04.017			0,001	1
A06.09.005			0,3	1
A06.09.007			0,3	1

A06.16.009	-	0,3	1
A06.17.002	,	0,2	1
A06.18.002		0,01	1
A06.18.003		0,2	1
A06.30.004		0,2	1
A06.30.005		0,3	1
A09.05.209		0,8	1
B03.052.001		1	1

2.

	(,) -		
A13.29.006		0,5	2
B01.003.002	() - -	0,2	1
B01.003.003	- -	0,2	5
B01.004.003	-	0,5	20
B01.010.002	(,) -	0,1	1
B01.013.002	(,) -	0,4	1
B01.018.002	(,) -	0,1	1
B01.029.002	(,) -	0,05	1
B01.031.005	-	0,5	20

A09.05.007		1	2
A09.05.009	-	1	2
A09.05.022		1	3
A09.05.032		1	3
A09.05.046		1	3
A09.05.050		1	2
A09.05.054		1	1
A09.05.209		0,3	1
A12.06.016	,	0,7	1
B03.005.006	()	1	3
B03.016.003	()	1	4
B03.016.004		1	3
B03.016.006		1	1
B03.016.010		1	2
A03.17.001		0,05	1
A03.19.002		0,04	1
A04.16.001	()	0,2	1
A04.18.001		0,2	1

A04.19.001		0,2	1
A04.30.004		0,2	1
A05.10.002		0,2	1
A05.14.001	-	0,01	1
A05.30.004	-	0,01	1
A05.30.004.001	-	0,01	1
A05.30.005	-	0,01	1
A05.30.005.001	-	0,01	1
A06.09.007.001		0,05	1
A06.17.002		0,01	1
A06.18.002		0,01	1
/	,	,	,
A03.16.001.003		0,05	1
A03.17.001		0,35	1
A03.18.001		0,02	1
A03.18.001.001		0,82	1
A03.19.002		0,06	1
A11.14.001		0,01	1
A11.16.001		0,01	1
A11.16.002		0,5	1
A11.16.003		0,5	1

A11.17.002		0,5	1
A11.18.001		0,5	1
A11.19.001		0,5	1
A11.19.002		0,5	1
B01.003.004	(1	1
B01.003.004.001)	0,2	1

3.

	-	**		***	****
A02AB	-		0,8		
				60	1260
				40	840
A02BC			0,3		
				40	840
A02BX			0,2		
				240	5040
				4	84

	-	**			***	****
A03AA	,		0,3			
					405	8505
					600	12600
A03AD			0,1			
					4	12
A03AX			0,4			
					15	300
A03FA	-		0,7			
					30	630
					1	5
A05AA			0,5			
					10	210
A05AX			0,5			
					7,5	157,5

	-	**			***	****
A07BC			0,5			
A07EA			0,1		9	45
A07EC			1		9	189
					2	42
A09AA			0,7		45	450
A11AA			0,3		20000	420000
A11CC	D	+	0,1		1,5	30
A11DA	1		0,2		1000	21000
A11GA	()		0,2		100	2100
					100	2100

	-	**			***	****
A12AX			0,8			
		+			1	21
A12BA			0,2			
					15	150
A12CX			0,8			
					2100	44100
B01AB			0,1			
					20000	200000
B02AA			0,1			
					50	200
B02BX			0,2			
					4	44
B03AC			0,5			
		[III]			100	500
B05AA			0,3			
					100	500
					500	1500

	-	**			***	****
B05BA			0,4			
					500	5000
					500	5000
B05CX			0,4			
					500	2500
B05XA			1,2			
					1	3
					1	5
					100	500
					500	10000
B05XC			0,1			
		[]			1	21
C01EB			0,3			
					300	1500
C03CA			0,1			
					30	300
C03DA			0,1			
					25	500

	-	**			***	****
H02AB			0,7			
					125	1250
					20	420
					48	1000
					80	1680
J01DB	1-		0,1			
					4000	40000
J01DD	3-		0,7			
					250	2500
		+[]			1	10
					1	10
					1,5	15
J01DE	4-		0,1			
					2	20
J01DH			0,1			
					1,5	15
J01FA			0,5			
					500	5000
					1	14
J01GB			0,2			
					400	4000

	-	**			***	****
J01XA			0,2			
					1	14
J01XD			0,5			
					900	9000
J02AC			0,2			
					125	1125
J04AC			0,05			
					0,5	10,5
J04AK			0,05			
					1,5	31,5
J05AB	,		0,4			
					1	14
					3	30
J05AX			0,3			

	-	**			***	****
	-	-			2	14
J06BA			0,1			
					32	224
L03AA			0,1			
L04AB			0,41		150	450
	(-)					
					40	80
					200	400
L04AD			0,1			
					300	6300
L04AX			0,8			
					50	1050
M01AE			0,3			
					200	600

	-	**			***	****
M01AX			0,1			
					200	2000
M03AB			1			
					100	100
					100	100
M03AC			0,6			
					0,2	0,2
					25	25
M05BA			0,1			
					3	3
N01AB			1			
					100	100
					50	50
N01AH			0,8			
					1	1
					7	7
N01AX			1			
					500	500
					100	100
N01BB			0,3			

	-	**			***	****
	-					
N02AA			0,3		75	300
					60	1260
N02AX			1			
					200	4200
N02BB			0,1			
					1	3
N02BE			0,8			
					200	1600
					1500	1500
N05BA			0,05			
					10	210
N05CD			1			
					10	10
V06DE	,	,	0,1			
	,					
					45	450
		+				

4.

			***	****
	0,1		1	3
,	0,05		1	1
,	0,1		2	6

5.

	0,6	21
	0,3	21
) (0,1	21

* -

** -

*** -

**** -

1. :
1. , , , - - , , , . , .
2. (, ,) .