

_____)

(

:

:

:

:

:

:

(): 21

X*

P27.0
P27.1
P27.8
P27.9

1.

(,) - ,			
			1
B01.003.001	() - -	0,1	1

¹

(100%),

0 1, 1 ,

1-

B01.006.001	(,) -	0,1	1
B01.015.003	(,) -	0,5	1
B01.028.001	(,) -	0,1	1
B01.029.001	(,) -	1	1
B01.031.001	(,) -	1	1
B01.032.001	(,) -	1	1
B01.037.001	(,) -	1	1
B02.069.001	(,)	0,5	1
A09.05.007		1	1
A09.05.008		1	1
A09.05.013	/	1	1
A09.05.014		1	1
A09.05.018		1	1
A09.05.022		1	1
A09.05.025	.	1	1
A09.05.032		1	1
A09.05.033		1	1
A09.05.034		0,1	1
A09.05.035.001		1	1
A09.05.037	- ()	1	1
A09.05.043		1	1
A09.05.045		0,1	1
A09.05.046		0,1	1
A09.05.054		0,3	1

A09.05.054.001		0,1	1
A09.05.062	(3)	0,1	1
A09.05.063	(4)	0,1	1
A09.05.073	-1-	0,3	1
A09.05.076		0,5	1
A09.05.135		0,3	1
A12.05.005	(, , 0)	0,1	1
A12.05.006	-	0,1	1
A12.05.013	()	0,3	1
A12.05.026		1	1
A12.05.031		1	1
A12.05.032		1	1
A26.06.016	, M, G (IgA, IgM, IgG) (Chlamidia pneumoniae)	0,1	1
A26.06.018	A,M, G (IgA, IgM, IgG) (Chlamydia trachomatis)	0,1	1
A26.06.022	M, G (IgM, IgG) (Cytomegalovirus)	0,1	1
A26.06.028	M, G (IgM, IgG) - (Epstein – Barr virus)	0,1	1
A26.06.029	- VCA (IgM) ()	0,1	1
A26.06.036	(BsAg Hepatitis B virus)	0,1	1
A26.06.037	(HBcAg Hepatitis B virus)	0,1	1
A26.06.046	G (IgG) (Herpes simplex virus 1, 2)	0,2	1
A26.06.047	(erpes-virus 6, 7, 8)	0,2	1

A26.06.057	M, G (IgM, IgG) (Mycoplasma pneumoniae)	0,2	1
B03.016.003	()	1	1
B03.016.004		1	1
B03.016.006		1	1
B03.016.010		0,5	1
A04.06.003		0,3	1
A04.10.002		1	1
A04.23.001		1	1
A05.10.006		1	1
A06.09.007		1	1
A12.09.005		1	1
B03.037.001		0,3	1
B03.052.001		0,5	1

2.

(,)	-		
B01.029.002	(,) -	0,8	1
B01.031.005	-	1	20
B01.037.002	(,) -	0,8	1

A09.09.010		0,2	1
A11.12.012		0,1	1
A12.09.005		0,8	20
A12.26.002		0,3	1
A26.07.006	(Candida spp.)	0,3	1
A26.09.010	-	0,5	1
A26.09.017	- (Respiratory syncytial virus)	0,5	1
A26.09.029		0,5	1
B03.016.003	()	1	1
B03.016.006		0,5	1
A06.08.010		0,1	1
A06.09.005		0,5	1
A06.09.005.003	,	0,1	1
A07.09.003		0,1	1

/	,	,	,	
A11.09.006				0,1
B01.003.004	(0,3
)			1
	,			
A17.09.001				0,2
A17.30.004	()		0,4
A17.30.007	(-)	0,3
A17.30.016	()		0,3
A20.30.026				0,2
A21.09.002				0,5
A22.09.010				0,4
A22.30.005				0,3
				10
				10
				10
				10
				21
				10
				10
				10

3.

	,					***	****
	-		**				
	-						

	- -	**			***	****
A07AX			0,1			
					200	1400
A07FA			0,3			
		+			150+150	1500+1500
A11CC	D		0,5			
					0,05	1,05
A11HA			0,3			
					2	42
A11JA			0,3			
		+			2	42
A12AA			0,3			
					200	3000
B03AB			0,2			
		[III]			30	630
C03DA			0,3			
					25	500

	- -	**			***	****
H02AB			0,4			
					100	200
					15	300
J01CA			0,2			
					500	5000
J01DB	1-		0,2			
					500	5000
J01DD	3-		0,2			
					500	5000
J01DH			0,2			
					500	5000
J01FA			0,3			
					100	500
J01GB			0,3			
					100	1000
J02AC			0,5			
					50	500
J06BA			0,2			
					15	75
			[IgG+IgM+IgA]			

	- -	**			***	****
J06BB			1			
					76	380
L03AB			0,8			
		-2b			500	10500
M01AE			0,1			
					2	2
N01AB			0,15			
					40	40
					50	50
N01AH			0,1			
					1	1
N01AX			0,25			
					500	500
					2	2
N02AX			0,2			
					100	100
N02BE			0,6			
					100	500

	- -	**			***	****
					1500	1500
N05BA			0,1			
					10	10
N05CD			0,1			
					10	10
R01AD			0,5			
					0,5	10,5
R03AK			1			
		+			0,5	10,5
		+			0,5	10,5
			+		0,5	10,5
R05CB			1			
					4	80
					5	100

4.

	0,3	21
	0,15	21
	0,15	21
	0,3	21
	0,1	21
	0,2	21

* -

** -

*** -

**** -

1.

2.

25.06.2012, 26, . 3442)). (5 37 (21.11. 2011' 323- « , 28.11.2011, 48, . 6724; » ()